



تشخیص مولکولی و آنالیز فیلوژنتیکی بویکولا کاپره در غرب و شمال غرب ایران بر اساس نشانگر سیتوکروم اکسیداز ۱

خدیجه صیدی گزافی^۱، موسی توسلی^۱، کریم مردانی^۲

۱ گروه پاتوبیولوژی، دانشکده دامپزشکی، دانشگاه ارومیه، ارومیه، ایران.
۲ گروه بهداشت و کنترل کیفی مواد غذایی، دانشکده دامپزشکی، ارومیه، ایران

چکیده

شپش‌ها انگل خارجی دائمی و اجباری پرندگان و پستاندارانند. شپش بویکولا کاپره، شپش جونده بز سبب ایجاد ازدیاد حساسیت، تحریک پذیری، درماتیت، کم‌خونی، کاهش وزن و کاهش تولید در بز می‌شود. این مطالعه به منظور مقایسه مولکولی بویکولا کاپره بر اساس ژنوم میتوکندریایی در غرب و شمال غرب ایران انجام شد. در مجموع ۱۰۱۷ نمونه شپش جونده بز از پنج استان واقع در غرب و شمال غرب ایران جمع‌آوری شد و با استفاده از کلیدهای تشخیص تعیین هویت شدند. پس از استخراج DNA و انجام واکنش PCR نمونه‌ها برای تعیین توالی ارسال شدند. نتایج بررسی مورفولوژیک با بررسی‌های مولکولی مطابقت داشت. هم‌ردیف‌سازی توالی نوکلئوتیدی نمونه‌های جداسازی شده از شهرهای مختلف بر اساس ژن سیتوکروم اکسیداز ۱ تشابه درون‌گونه‌ای ۱۰۰ درصد را نشان داد. در ترسیم درخت فیلوژنتیک توالی بویکولا کاپره جداسازی شده در این مطالعه در کنار نمونه‌های کانادا و چین در یک شاخه قرار گرفتند که بر مبنای ماتریس شباهت بیش از ۹۰ درصد قرابت فیلوژنتیک داشتند. نتایج تجزیه و تحلیل ژن سیتوکروم اکسیداز ۱ در این مطالعه نشان داد که این قطعه برای نشان دادن شباهت درون‌گونه‌ای، تمایز در سطح گونه و جنس بویکولا کاپره مفید است.

واژگان کلیدی

COX1، شپش، بررسی مولکولی، ایران

* نویسنده مسئول: موسی توسلی
m.tavassoli@urmia.ac.i